

1/16

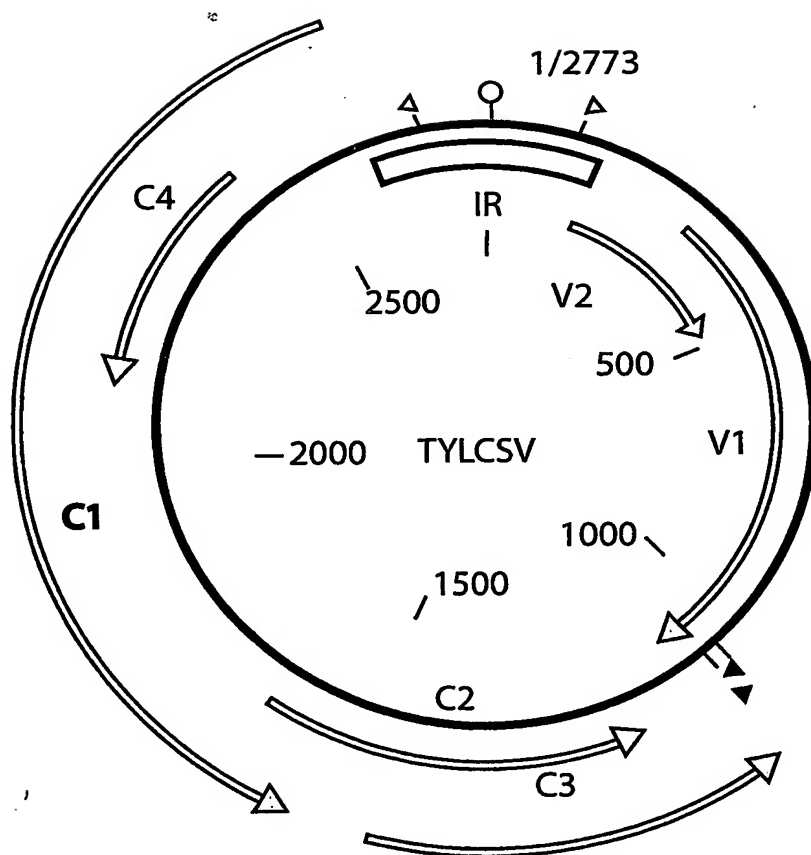


Fig. 1

2/16

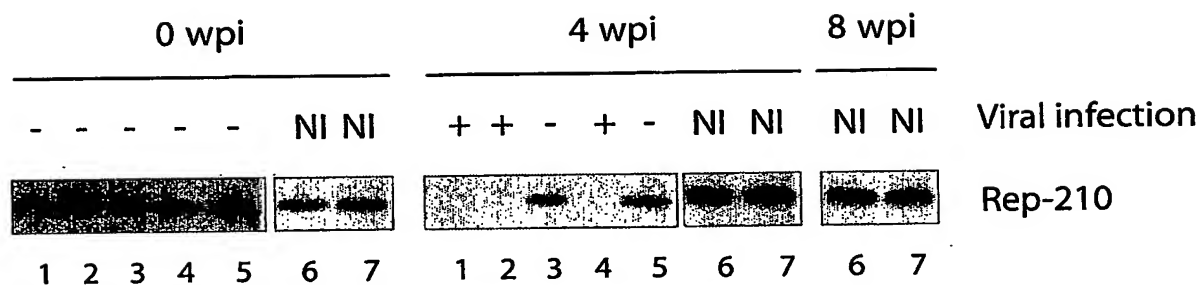


Fig. 2

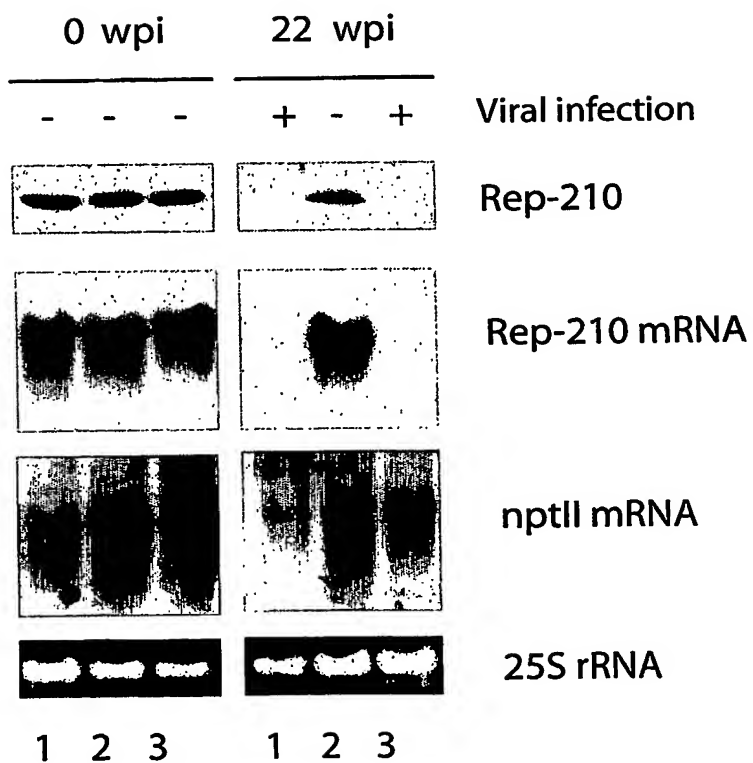


Fig. 3

3/16

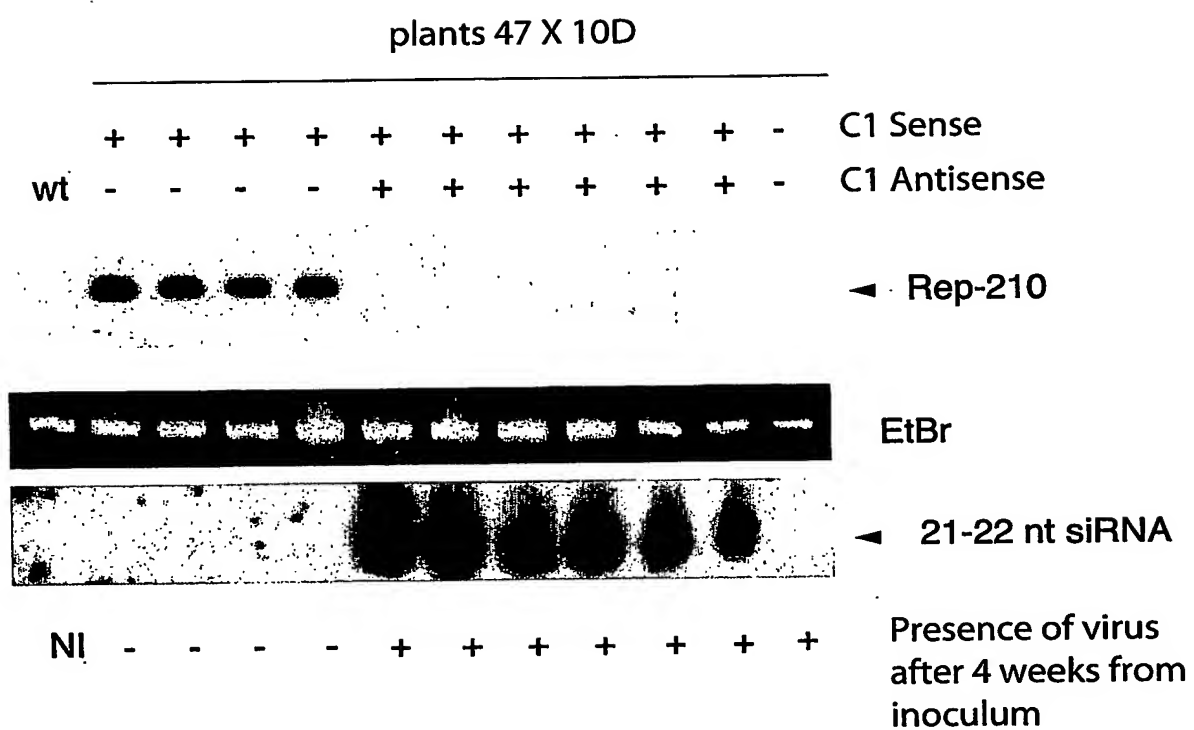


Fig. 4

4/16

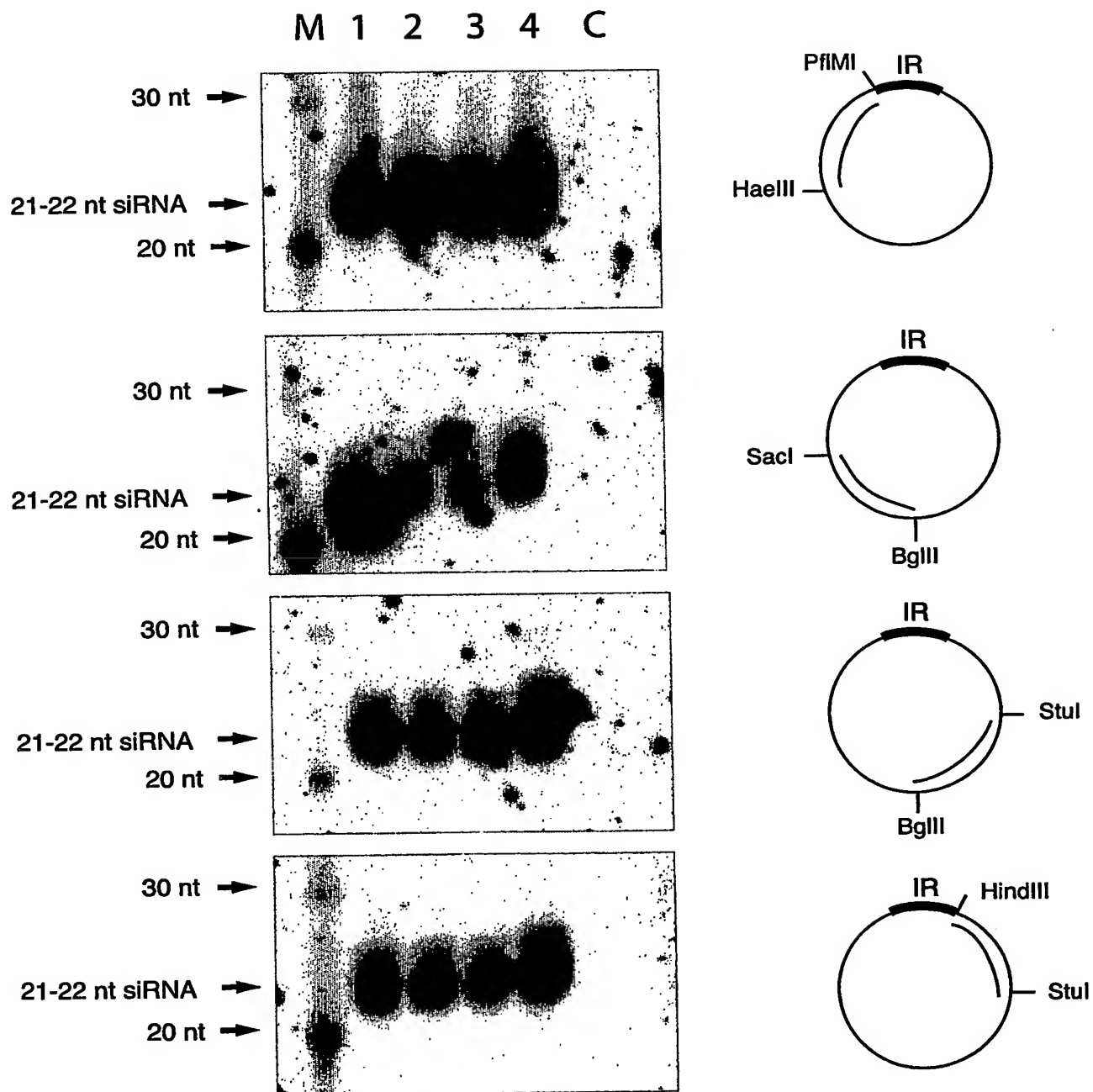


Fig.5

5/16

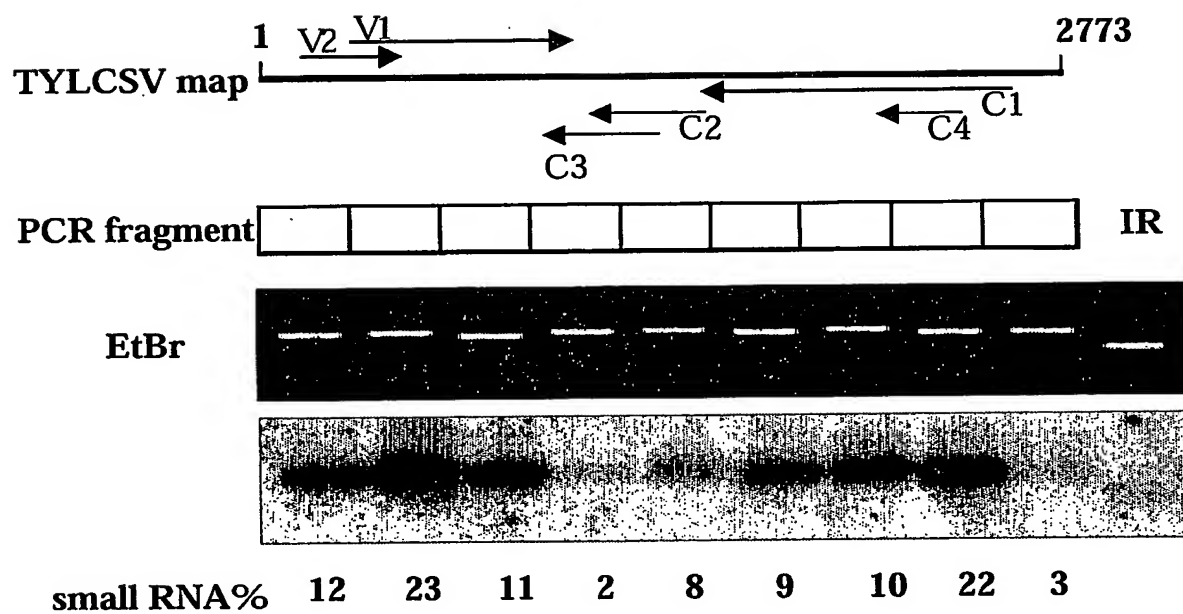


Fig. 6

6/16

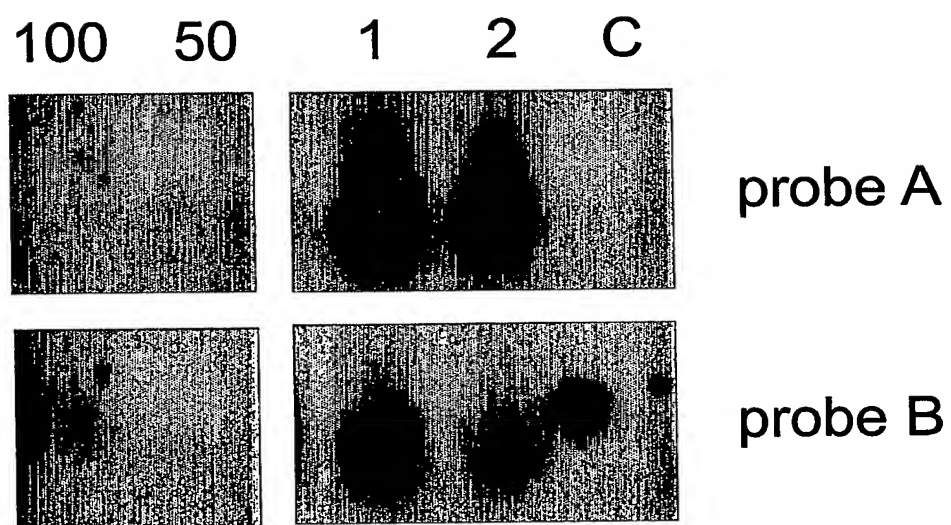


Fig. 7

7/16

SEQ ID No 8

```
GGATCCCCctggatactttgagtgtcccccgattcagaac 40
gacagcaaaaatgccaagatcaggtcgttttagtatcaag 80
gctaaaaattatttccttacatatcccaaattgtgatttaa 120
caaaagaaaatgcactttcccaaataacaaacctacaaac 160
acccacaaacaaattattcatcaaaaatttgcagagaacta 200
catgaaaatggggaacctcatctccatatttgatccaat 240
tcgaaggaaaatacaattgtaccaatcaacgattcttcga 280
cctggtatccccaaccaggtcagcacatttccatccgaac 320
attcagggagctaaatcgagctccgacgtcaagtcctata 360
tcgacaaggacggagatgttcttgaatgggggtactttcca 400
gatcgacggacgatctgctaggggaggacaacagacagcc 440
tGAATTC 447
```

Fig. 8

8/16

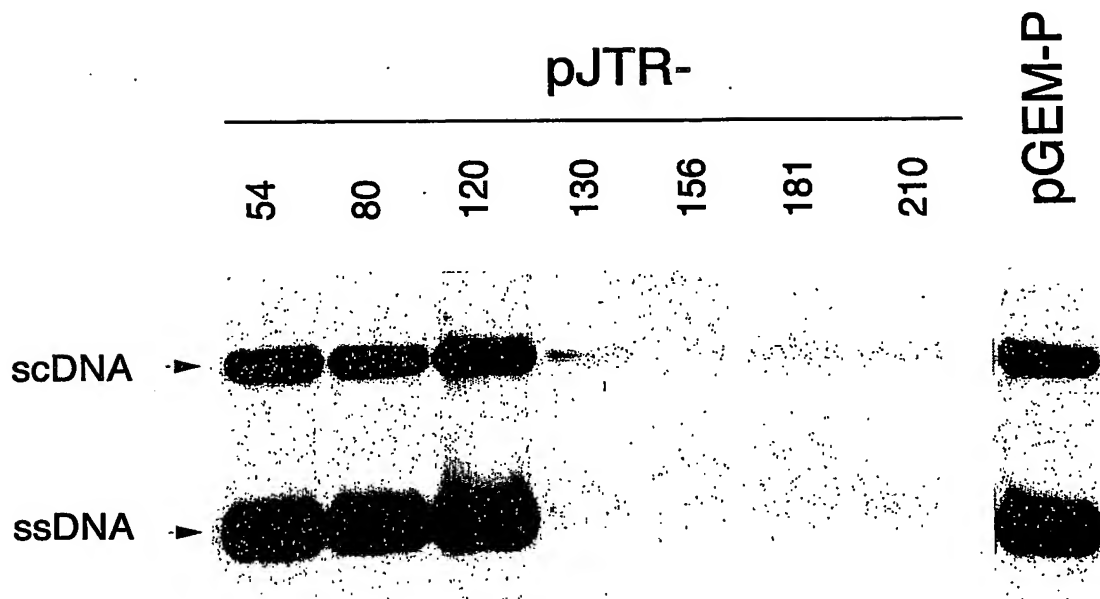


Fig. 9

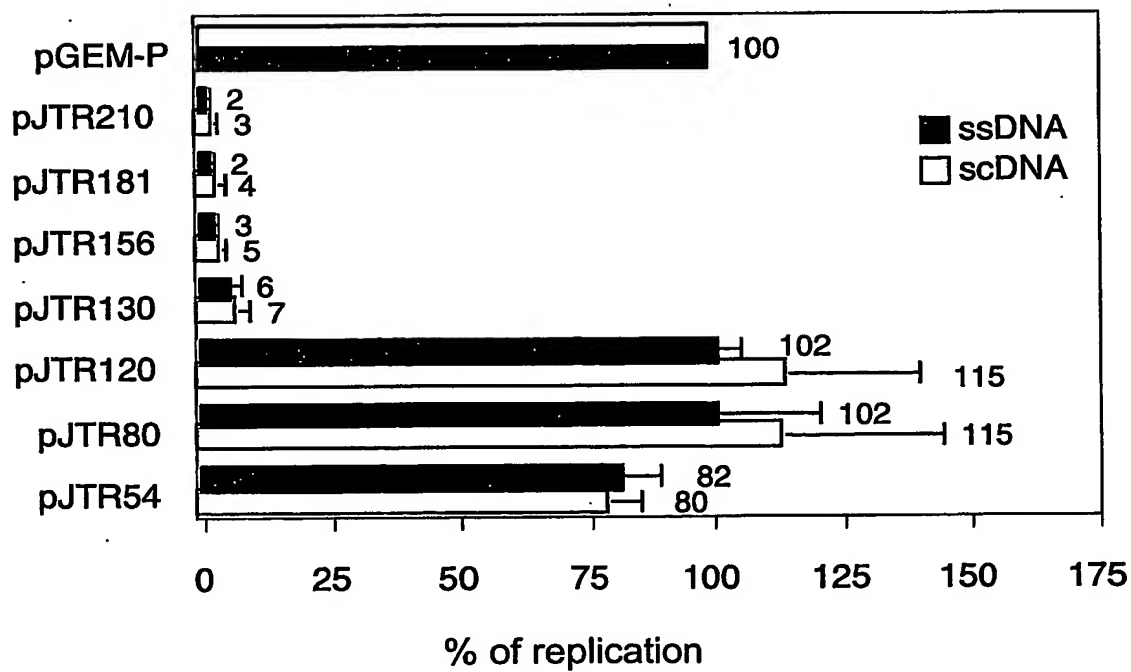


Fig. 10

9/16

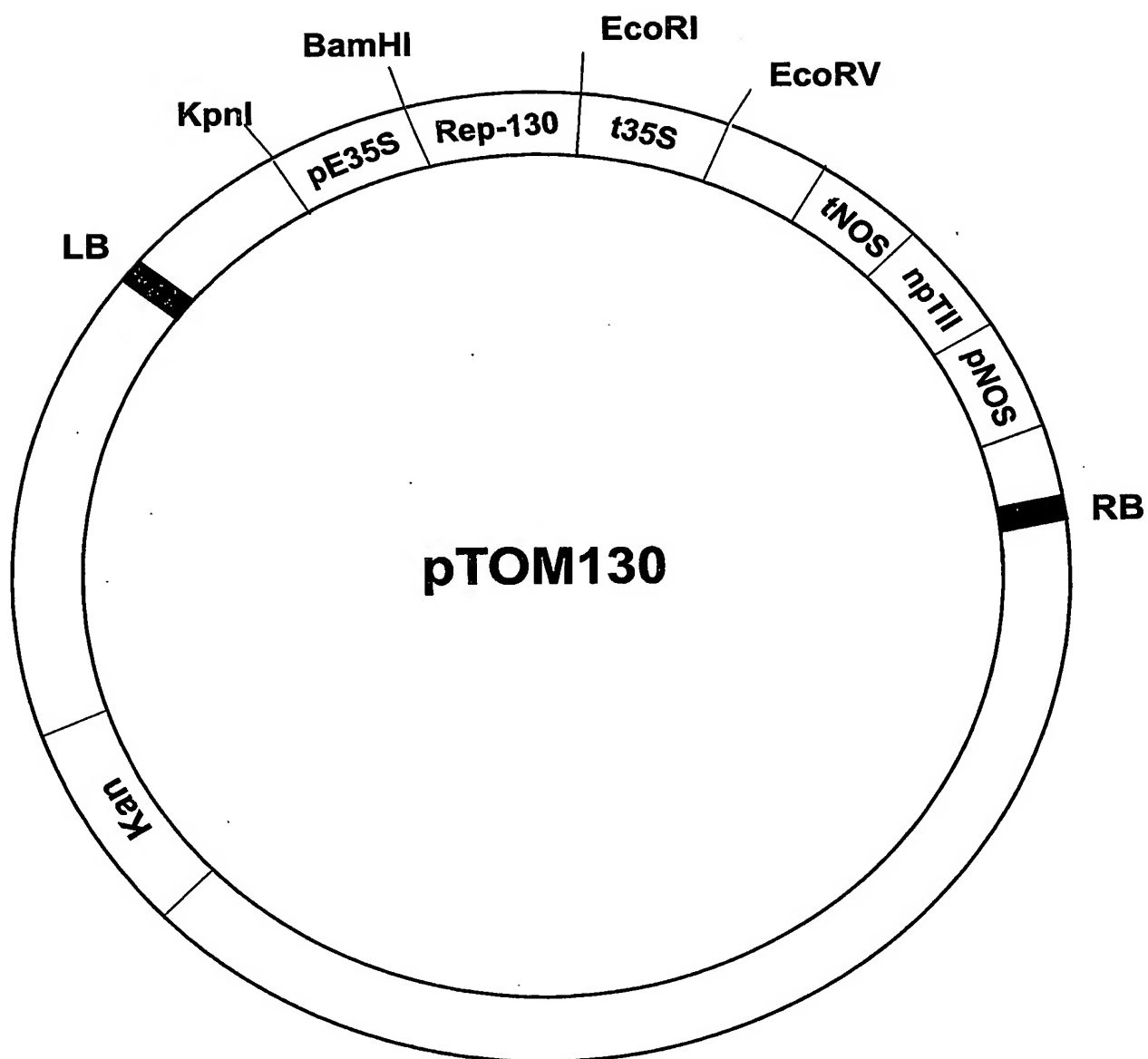


Fig. 11

10/16

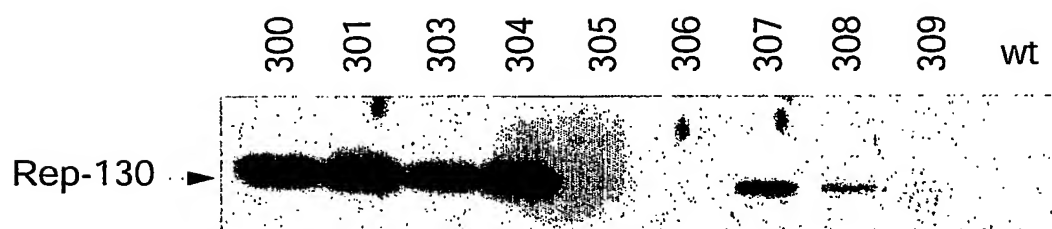


Fig. 12

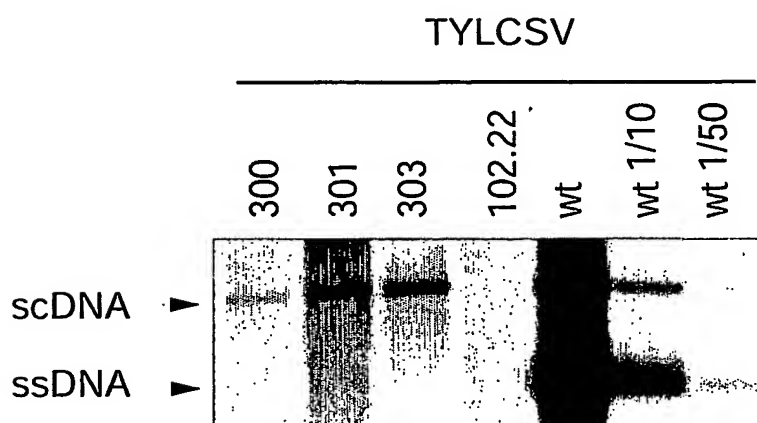


Fig. 13

11/16

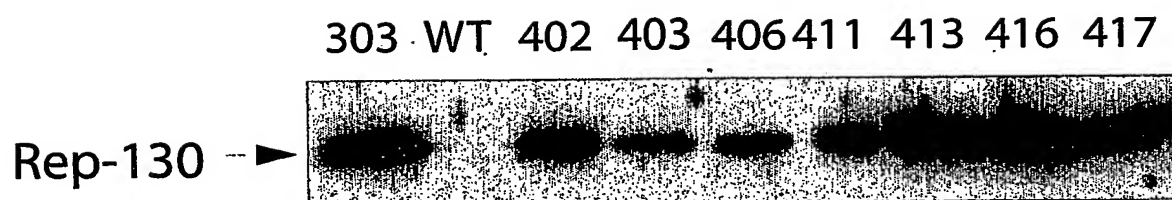


Fig. 14

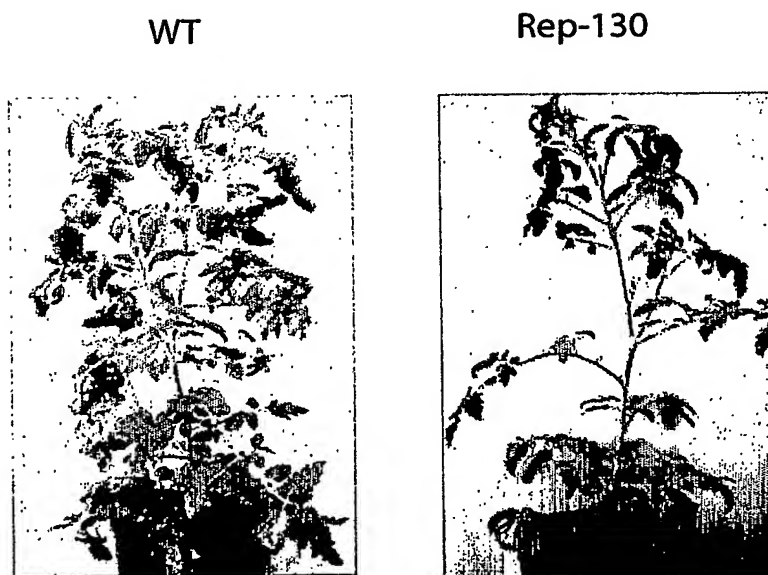


Fig. 15

12/16

--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--

Fig. 16A

	10	20	30	40	50	60	
1	A T G C C A A G A T C A G G T C G T T T A G T A T C A A G G C T A A A A A T T A T T T C C T T A C A T A T C C C A A A					Rep-210 wild type (SEQ ID No 1)	
1	A T G C C T A G A T C C G G A A G G T T T A G C A T C A A A G C T A A A A T T A A G T T C I T T G A C A T A C C C C A A					Rep-210 silencing minus B (SEQ ID No 4)	
	70	80	90	100	110	120	
61	T G T G A T T T A A C A A A A G A A A A T G C A C T T T C C C A A A T A A C A A A C C C A A A C C C A A A C					Rep-210 wild type (SEQ ID No 1)	
61	T G T G A C T T A A C T A A A G G A A A A T G C A T T C C C A A A T A A C A A C T T G C A A A C C C C A C C C A A C					Rep-210 silencing minus B (SEQ ID No 4)	
	130	140	150	160	170	180	
121	A A A T T A T T C A T C A A A A A T T T G C A G A A C T A C A T A A A A A T T G G G A A C C T C A T C T C C A T A T T					Rep-210 wild type (SEQ ID No 1)	
121	A A G T T G T T C A T T A A G A T T T G A G A A C T A A G C A A A T T G G A A C C A C A T C T C A T C T C A T A T C					Rep-210 silencing minus B (SEQ ID No 4)	
	190	200	210	220	230	240	
181	C T C A T C C A A T T C G A A G G A A A A T A C A A T T G T A C C A A T C A A C G A T T C T T C G A C C T G G T A T C C					Rep-210 wild type (SEQ ID No 1)	
181	T T G A T A C A G T T C G A A G G A A A A G T A A A T A A G T G A C C A A A C A C G T T T C T T G A C C T T G T C C					Rep-210 silencing minus B (SEQ ID No 4)	
	250	260	270	280	290	300	
241	C C A A C C A G G T C A G C A C A T T C C A T C C G A A C A T T C A G G A G C T A A A T C G A G C T C C G A C G T C					Rep-210 wild type (SEQ ID No 1)	
241	C C T A C C A G T T C A G C C A T T T C A T T C A T C C A A C A C A T C A G G T G C T A A G T C G A C G T C A G A C G T					Rep-210 silencing minus B (SEQ ID No 4)	
	310	320	330	340	350	360	
301	A A G T C C T A T A T C G A C A A G G A C G G A G A G A T G T T C T T G A A T G G G G T A C T T C C A G A T C G A C G G A					Rep-210 wild type (SEQ ID No 1)	
301	A A G T C A T A G A C A A N G A C G G G A T G T G C T G A G A T G G G G A A C T T T C A G A T A G A C G G T					Rep-210 silencing minus B (SEQ ID No 4)	
	370	380	390	400	410	420	
361	C G A T C T G C T A G G G A G G A C A A C A G A C A G C C A A C G A C G C T A C G C A A A G G C A A T T A C G C A					Rep-210 wild type (SEQ ID No 1)	
361	C G A T C G C T A G A G G A G G C A G C A C A G C A A C A G A T A C G A T A C G C A A A G G C A A T C A A C G C T					Rep-210 silencing minus B (SEQ ID No 4)	
	430	440	450	460	470	480	
421	G G A A G T A A G T C G C A G G C T T T G A T G T A A T A A A G A A T T A G C C C T A G C C C T A G A G A T T A C G T T C T A					Rep-210 wild type (SEQ ID No 1)	
421	G G A T C A A G T C A C A G G C C T T G A C C T T G A C C T T A A A G A G T T A G C C C T A G C C C T A G A G A T T A C G T T C T A					Rep-210 silencing minus B (SEQ ID No 4)	
	490	500	510	520	530	540	
481	C A T T T C A T A A T A A A A T A G T A A T T A G A T A A G G T T T T C C A G G T G C C T C C G G C A C C T T A T					Rep-210 wild type (SEQ ID No 1)	
481	C A T T T C A T A A T A A A A T A G A A T T T G A C A A A G A G T T T C C A A G T G C C A C C G G C C T T A C					Rep-210 silencing minus B (SEQ ID No 4)	
	550	560	570	580	590	600	
541	G T T T C T C C C T T T T A T C T T C T T C T T C T T C C G A T C A A G T T C C T G A T G A A C A C A C A C T G G G T T					Rep-210 wild type (SEQ ID No 1)	
541	G T T T C C C T T T T A A A G T T C T T C T T C T T C A G T C A G G T T C C A G A T G A C T T G A C A T G G G T G					Rep-210 silencing minus B (SEQ ID No 4)	
	610	620	630				
601	T C C G A G A A C G T C A T G G A T G C C G C T G C G C G					Rep-210 wild type (SEQ ID No 1)	
601	T C T G A A A C G T A T G G A G C C C G C A G C C G T					Rep-210 silencing minus B (SEQ ID No 4)	

Fig. 16B

14/16

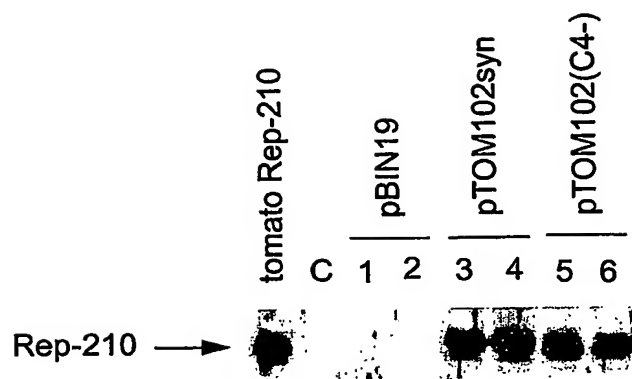


Fig. 17

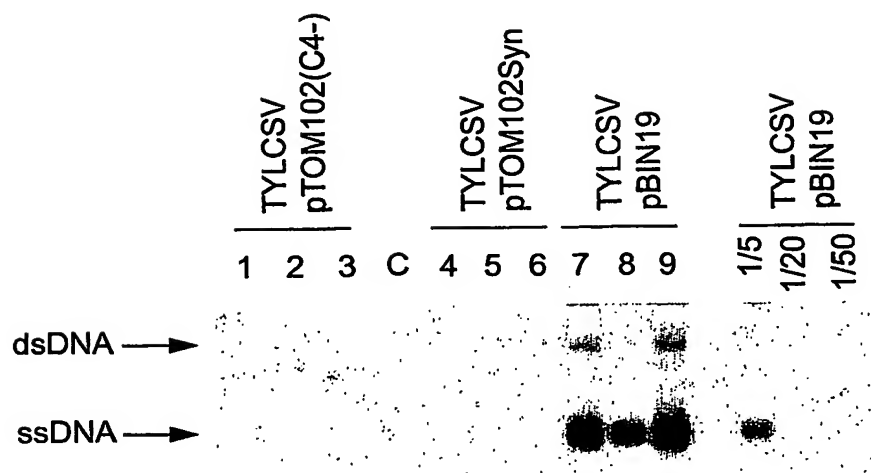


Fig. 18

15/16

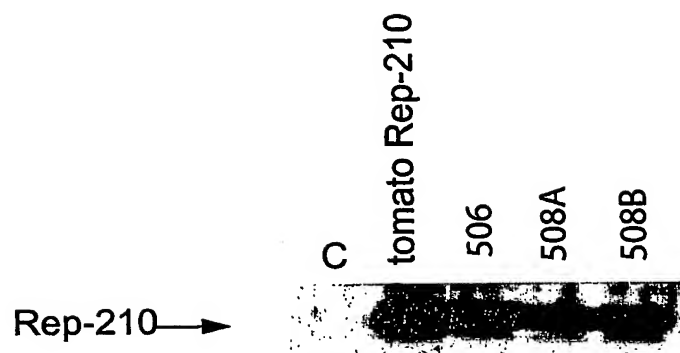


Fig. 19

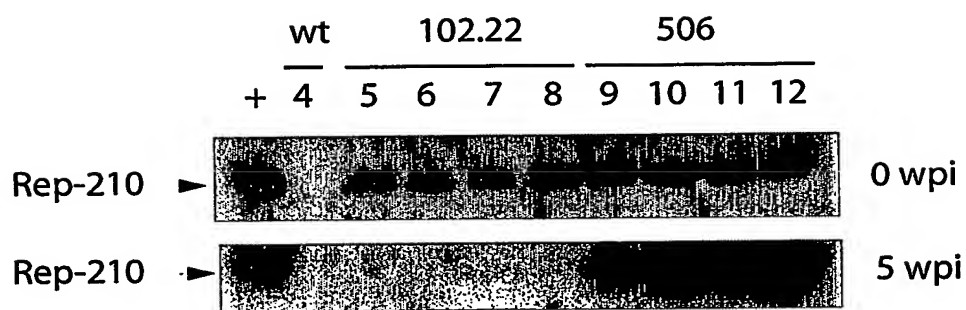


Fig. 20

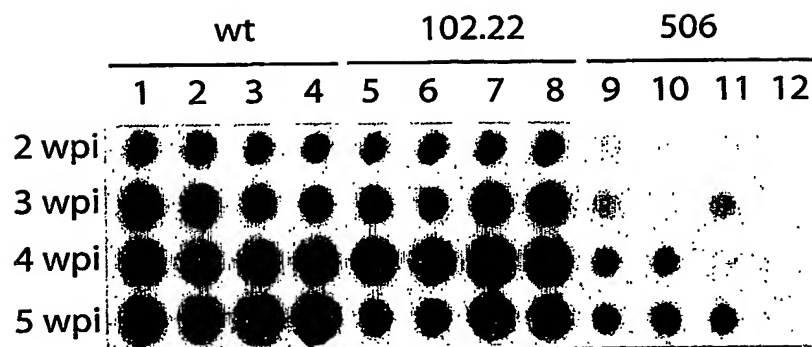


Fig. 21

16/16

	10	20	30	40	50	60	70	80	
1	A	T	G	C	C	G	A	A	TYLCSV CP (SEQ ID No 12)
1	A	T	G	C	C	G	A	A	TYLCSV CP silencing minus (SEQ ID No 6)
	90	100	110	120	130	140	150	160	
81	T	A	C	C	A	G	C	C	TYLCSV CP (SEQ ID No 12)
81	G	A	C	C	T	C	G	A	TYLCSV CP silencing minus (SEQ ID No 6)
	170	180	190	200	210	220	230	240	
161	G	G	A	T	G	T	A	G	TYLCSV CP (SEQ ID No 12)
161	G	G	A	T	G	T	A	G	TYLCSV CP silencing minus (SEQ ID No 6)
	250	260	270	280	290	300	310	320	
241	G	A	T	G	T	A	G	T	TYLCSV CP (SEQ ID No 12)
241	G	A	T	G	T	A	G	T	TYLCSV CP silencing minus (SEQ ID No 6)
	330	340	350	360	370	380	390	400	
321	A	C	G	T	T	T	T	T	TYLCSV CP (SEQ ID No 12)
321	A	C	G	T	T	T	T	T	TYLCSV CP silencing minus (SEQ ID No 6)
	410	420	430	440	450	460	470	480	
401	A	A	G	T	G	T	T	T	TYLCSV CP (SEQ ID No 12)
401	A	A	G	T	G	T	T	T	TYLCSV CP silencing minus (SEQ ID No 6)
	490	500	510	520	530	540	550	560	
481	G	A	T	A	T	G	A	T	TYLCSV CP (SEQ ID No 12)
481	G	A	T	A	T	G	A	T	TYLCSV CP silencing minus (SEQ ID No 6)
	570	580	590	600	610	620	630	640	
561	T	G	T	T	G	G	A	T	TYLCSV CP (SEQ ID No 12)
561	T	G	T	T	G	G	A	T	TYLCSV CP silencing minus (SEQ ID No 6)
	650	660	670	680	690	700	710	720	
641	A	C	C	A	G	A	G	C	TYLCSV CP (SEQ ID No 12)
641	A	C	C	A	G	A	G	C	TYLCSV CP silencing minus (SEQ ID No 6)
	730	740	750	760	770				
721	G	T	T	A	C	G	T	A	TYLCSV CP (SEQ ID No 12)
721	G	T	T	A	C	G	T	A	TYLCSV CP silencing minus (SEQ ID No 6)

Fig. 22